

## Supplementary Information

**Table S1.** The transcript abundance of the CnAP2/ERF in response to salinity, ABA, SA, JA, low temperature, wounding treatments.

Groups	GENE	Relative Expression Level						Corresponding Standard Deviation						Significance (* Expression Level at That Time was Significantly Different from that at 0 H by <i>t</i> -Test, $p < 0.05$ )				
		0 h	1 h	4 h	8 h	12 h	24 h	0 h	1 h	4 h	8 h	12 h	24 h	1 h	4 h	8 h	12 h	24 h
salinity stress	<i>CnDREB1-1</i>	1.00	1.61	2.69	0.63	0.48	1.31	0.09	0.11	0.18	0.05	0.03	0.07	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB1-2</i>	1.00	0.53	0.61	0.98	0.51	0.53	0.12	0.03	0.05	0.06	0.07	0.04	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB1-3</i>	1.00	0.22	0.19	0.22	0.36	0.57	0.14	0.01	0.02	0.02	0.05	0.06	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB3-1</i>	1.00	2.68	4.37	13.00	1.38	2.95	0.14	0.25	0.41	1.39	0.16	0.43	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB3-2</i>	1.00	0.60	0.66	0.75	0.89	0.89	0.15	0.07	0.06	0.09	0.11	0.06	*	*	*	*	*
	<i>CnERF1</i>	1.00	0.06	0.07	0.23	1.52	0.10	0.07	0.00	0.01	0.02	0.16	0.01	*	*	*	*	*
ABA treatment	<i>CnDREB1-1</i>	1.00	0.16	0.44	0.18	0.08	0.11	0.05	0.01	0.05	0.01	0.01	0.01	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB1-2</i>	1.00	1.10	0.60	0.39	0.21	0.42	0.07	0.07	0.07	0.04	0.01	0.05		*	*	*	*
	<i>CnDREB1-3</i>	1.00	0.32	0.10	0.13	0.26	0.19	0.10	0.04	0.02	0.02	0.04	0.01	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB3-1</i>	1.00	2.04	0.74	3.24	0.38	1.31	0.15	0.11	0.08	0.48	0.03	0.07	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB3-2</i>	1.00	4.38	0.75	1.85	0.79	1.34	0.12	0.37	0.06	0.21	0.09	0.14	*	*	*	*	*
	<i>CnERF1</i>	1.00	2.83	0.50	1.14	2.12	0.13	0.13	0.24	0.07	0.06	0.14	0.01	*	*		*	*
SA treatment	<i>CnDREB1-1</i>	1.00	0.38	3.26	3.40	0.10	0.23	0.09	0.03	0.22	0.33	0.01	0.03	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB1-2</i>	1.00	0.89	0.65	0.40	0.11	0.15	0.12	0.13	0.09	0.04	0.02	0.01		*	*	*	*
	<i>CnDREB1-3</i>	1.00	0.29	0.15	0.08	0.10	0.06	0.12	0.04	0.01	0.00	0.01	0.00	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB3-1</i>	1.00	0.89	1.78	1.10	1.18	2.39	0.14	0.11	0.14	0.15	0.11	0.25		*			*
	<i>CnDREB3-2</i>	1.00	1.88	1.32	0.85	0.58	1.92	0.09	0.12	0.19	0.04	0.07	0.18	*	*	*	*	*
	<i>CnERF1</i>	1.00	0.12	0.10	0.04	8.89	4.62	0.05	0.01	0.02	0.00	0.80	0.33	*	*	*	*	*
JA treatment	<i>CnDREB1-1</i>	1.00	0.98	0.49	2.19	0.69	0.02	0.06	0.10	0.04	0.23	0.05	0.00		*	*	*	*
	<i>CnDREB1-2</i>	1.00	0.42	0.35	0.39	0.69	0.87	0.13	0.03	0.02	0.05	0.08	0.06	*	*	*	*	
	<i>CnDREB1-3</i>	1.00	0.15	0.09	0.08	0.49	0.81	0.13	0.02	0.01	0.01	0.06	0.11	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB3-1</i>	1.00	0.47	0.92	1.01	1.10	1.27	0.13	0.05	0.10	0.06	0.12	0.18	*				*
	<i>CnDREB3-2</i>	1.00	0.59	1.11	0.98	1.49	5.44	0.07	0.08	0.08	0.06	0.08	0.77	*			*	*
	<i>CnERF1</i>	1.00	0.05	0.19	0.06	0.43	6.48	0.09	0.01	0.03	0.01	0.04	0.44	*	*	*	*	*

Table S1. Cont.

Groups	GENE	Relative Expression Level						Corresponding Standard Deviation						Significance (* Expression Level at That Time was Significantly Different from that at 0 H by <i>t</i> -Test, $p < 0.05$ )				
		0 h	1 h	4 h	8 h	12 h	24 h	0 h	1 h	4 h	8 h	12 h	24 h	1 h	4 h	8 h	12 h	24 h
low temperature stress	<i>CnDREB1-1</i>	1.00	9.27	0.50	3.61	6.54	0.75	0.11	1.37	0.07	0.18	0.86	0.10	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB1-2</i>	1.00	1.05	1.40	2.88	1.91	0.13	0.14	0.07	0.11	0.40	0.18	0.02		*	*	*	*
	<i>CnDREB1-3</i>	1.00	22.58	43.93	59.47	30.42	18.82	0.06	3.13	4.79	3.82	1.88	2.24	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB3-1</i>	1.00	2.23	0.92	1.33	3.75	0.91	0.09	0.28	0.07	0.09	0.40	0.05	*		*	*	
	<i>CnDREB3-2</i>	1.00	5.56	3.96	6.22	6.06	2.25	0.11	0.59	0.56	0.51	0.56	0.30	*	*	*	*	*
	<i>CnERF1</i>	1.00	44.08	12.33	18.99	1.10	0.81	0.10	4.50	1.72	2.52	0.12	0.06	*	*	*		*
wounding	<i>CnDREB1-1</i>	1.00	6.20	9.69	1.57	2.25	0.45	0.06	0.64	0.77	0.20	0.23	0.06	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB1-2</i>	1.00	2.56	2.07	1.48	0.46	0.82	0.07	0.35	0.29	0.14	0.05	0.08	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB1-3</i>	1.00	62.55	26.30	12.44	1.42	0.70	0.14	6.35	3.54	0.70	0.21	0.04	*	*	*	*	*
	<i>CnDREB3-1</i>	1.00	1.73	1.33	0.97	0.89	0.89	0.08	0.09	0.14	0.14	0.05	0.07	*	*			
	<i>CnDREB3-2</i>	1.00	4.64	2.41	1.34	2.80	2.35	0.15	0.28	0.12	0.19	0.28	0.22	*	*	*	*	*
	<i>CnERF1</i>	1.00	64.00	4.98	1.52	10.91	7.30	0.15	8.59	0.68	0.10	1.37	0.54	*	*	*	*	*