

Table S2. Potential bioactive peptides (threshold > 0.4) identified through PeptideRanker software. Peptides are sorted in decreasing peptide rank values. Threshold was set at 0.4.

<i>Peptide rank value</i>	<i>Sequence</i>
0.89	ML
0.82	FT
0.81	GL
0.81	VF
0.80	LP
0.79	PR
0.77	FV
0.70	MI
0.67	FVPH
0.62	LL
0.58	IP
0.57	SIPR
0.53	YR
0.52	GI
0.52	LY
0.47	FVDG
0.44	FVDGH
0.44	AL
0.43	LPQ
0.42	SAPI
0.40	IL
0.34	LI
0.34	LH
0.34	VNPDPK
0.33	VM
0.33	FVDAH
0.33	DL
0.33	GLT
0.32	IY
0.31	ALDG
0.31	LA
0.31	IPAGT
0.30	NNPQIH
0.28	VAPR
0.23	ALDGK

0.23	GIT
0.23	VPH
0.22	LDGK
0.22	II
0.22	VIPA
0.21	IH
0.21	DGK
0.20	AI
0.2	LVG
0.20	VYPS
0.19	DVLG
0.18	ILQ
0.18	IA
0.16	FEE
0.15	RIIQ
0.15	IIQ
0.14	TL
0.14	DI
0.14	LKA
0.13	VL
0.13	LSS
0.13	KLIN
0.11	SKPET
0.11	LT
0.11	ISS
0.11	VR
0.11	IKA
0.11	LVKPDD
0.10	AIV
0.10	ILE
0.09	SLE
0.08	IT
0.08	LVN
0.08	SIE
0.08	LEH
0.08	IEH
0.07	TI
0.07	EL
0.07	EY
0.07	IVN

0.06	VI
0.06	LE
0.06	ELS
0.06	IDSEQ
0.05	EI
0.05	IE
0.05	EIS
0.05	LKE
0.05	VIVN
0.05	VVNEGEAH
0.04	TDNV
0.04	VVNEGEA
0.04	KSLS
0.04	VAV
0.04	IKE
0.04	EEIN
0.04	HVE
0.03	VV
0.03	VVT
0.02	VVE
