

Table S3. 152 gene signature

HGNC_symb	logFC	fold change
<u>EFEMP1</u>	3,36	10,27
<u>SLIT2</u>	3,28	9,71
<u>RGS2</u>	3,01	8,06
<u>DTL</u>	2,92	7,57
<u>CD53</u>	2,86	7,26
<u>MMP15</u>	2,69	6,45
<u>ICMT</u>	2,52	5,74
<u>SPP1</u>	2,5	5,66
<u>AURKA</u>	2,46	5,50
<u>PLEK</u>	2,35	5,10
<u>ZDHHC14</u>	2,29	4,89
<u>ITGA4</u>	2,21	4,63
<u>ISG15</u>	2,2	4,59
<u>CFB</u>	2,15	4,44
<u>RAPH1</u>	2,11	4,32
<u>S100A8</u>	2,07	4,20
<u>NANP</u>	2,01	4,03
<u>OAS2</u>	1,98	3,94
<u>VCAN</u>	1,93	3,81
<u>CLDN6</u>	1,86	3,63
<u>LRP2</u>	1,86	3,63
<u>NPC2</u>	1,85	3,61
<u>RALBP1</u>	1,81	3,51
<u>CHCHD3</u>	1,8	3,48
<u>ARL4C</u>	1,76	3,39
<u>TINAGL1</u>	1,75	3,36
<u>LMF2</u>	1,74	3,34
<u>FGF9</u>	1,72	3,29
<u>UTRN</u>	1,72	3,29
<u>FGF18</u>	1,7	3,25
<u>BMP7</u>	1,69	3,23
<u>RGS5</u>	1,65	3,14
<u>OLFML2B</u>	1,58	2,99
<u>THBD</u>	1,58	2,99
<u>TNFSF10</u>	1,58	2,99
<u>FUT2</u>	1,56	2,95
<u>CLIC4</u>	1,54	2,91
<u>SPRY1</u>	1,54	2,91
<u>KDM5C</u>	1,53	2,89
<u>CALR</u>	1,52	2,87
<u>SDC3</u>	1,52	2,87
<u>UBE2D3</u>	1,51	2,85
<u>IFITM1</u>	1,49	2,81
<u>ADAMTSL5</u>	1,48	2,79
<u>NOTCH3</u>	1,47	2,77
<u>PTP4A2</u>	1,47	2,77
<u>RIT1</u>	1,46	2,75

<u>MELK</u>	1,45	2,73
<u>CCT3</u>	1,44	2,71
<u>CXCL17</u>	1,44	2,71
<u>EMB</u>	1,44	2,71
<u>CFI</u>	1,43	2,69
<u>RHBDL2</u>	1,43	2,69
<u>ZFYVE16</u>	1,41	2,66
<u>APOC1</u>	1,4	2,64
<u>LUM</u>	1,39	2,62
<u>NFKBIA</u>	1,38	2,60
<u>LYZ</u>	1,37	2,58
<u>CSH1</u>	1,36	2,57
<u>LCP1</u>	1,36	2,57
<u>SLC44A3</u>	1,36	2,57
<u>APLP1</u>	1,34	2,53
<u>FCER1G</u>	1,34	2,53
<u>DSE</u>	1,33	2,51
<u>IFI27</u>	1,32	2,50
<u>LDLR</u>	1,31	2,48
<u>GNAO1</u>	1,3	2,46
<u>TOR1AIP2</u>	1,29	2,45
<u>NQO1</u>	1,28	2,43
<u>RAB13</u>	1,28	2,43
<u>SNX5</u>	1,27	2,41
<u>CDCP1</u>	1,25	2,38
<u>PVRL4</u>	1,25	2,38
<u>SLC6A8</u>	1,25	2,38
<u>GPRC5A</u>	1,24	2,36
<u>IL17D</u>	1,24	2,36
<u>MAL</u>	1,24	2,36
<u>RNPEP</u>	1,24	2,36
<u>CRIPAK</u>	1,23	2,35
<u>RGS1</u>	1,22	2,33
<u>CAMK1G</u>	1,22	2,33
<u>COL3A1</u>	1,21	2,31
<u>PIM1</u>	1,21	2,31
<u>BME</u>	1,21	2,31
<u>C1orf116</u>	1,2	2,30
<u>C6orf106</u>	1,2	2,30
<u>MARK3</u>	1,2	2,30
<u>PRRX1</u>	1,2	2,30
<u>CTGF</u>	1,2	2,30
<u>FN1</u>	1,19	2,28
<u>SCD</u>	1,19	2,28
<u>FUCA2</u>	1,19	2,28
<u>LAPTM5</u>	1,18	2,27
<u>LRRC41</u>	1,17	2,25
<u>VKORC1L1</u>	1,17	2,25
<u>CYP1B1</u>	1,17	2,25
<u>COL5A2</u>	1,16	2,23

<u>COL6A3</u>	1,15	2,22
<u>BCL2L1</u>	1,15	2,22
<u>GPRC5B</u>	1,14	2,20
<u>IFIH1</u>	1,14	2,20
<u>RHOU</u>	1,14	2,20
<u>SNX18</u>	1,14	2,20
<u>ATP1B1</u>	1,14	2,20
<u>FAM129A</u>	1,13	2,19
<u>STXBP6</u>	1,13	2,19
<u>TIGIT</u>	1,13	2,19
<u>PDLIM5</u>	1,13	2,19
<u>SFRP2</u>	1,12	2,17
<u>THBS1</u>	1,12	2,17
<u>FURIN</u>	1,12	2,17
<u>IL1R1</u>	1,11	2,16
<u>LGALS1</u>	1,11	2,16
<u>PVRL3</u>	1,11	2,16
<u>FGF7</u>	1,11	2,16
<u>IL1RAP</u>	1,1	2,14
<u>SEMA4C</u>	1,09	2,13
<u>TAGLN</u>	1,09	2,13
<u>PRIMA1</u>	1,09	2,13
<u>AP2M1</u>	1,08	2,11
<u>ARL6IP5</u>	1,07	2,10
<u>CCBP2</u>	1,07	2,10
<u>PIGA</u>	1,07	2,10
<u>SLCO4A1</u>	1,07	2,10
<u>SNX9</u>	1,07	2,10
<u>ZDHHC9</u>	1,07	2,10
<u>ATP6V0A2</u>	1,07	2,10
<u>CXCL3</u>	1,06	2,08
<u>FKBP8</u>	1,06	2,08
<u>MAN1A1</u>	1,06	2,08
<u>RPN2</u>	1,06	2,08
<u>UNC5C</u>	1,06	2,08
<u>WDR5B</u>	1,06	2,08
<u>CAMK2D</u>	1,06	2,08
<u>RALY</u>	1,05	2,07
<u>FAM174B</u>	1,05	2,07
<u>KIAA1919</u>	1,04	2,06
<u>SLC17A7</u>	1,04	2,06
<u>CDC42EP4</u>	1,04	2,06
<u>NR2F6</u>	1,03	2,04
<u>RAB3D</u>	1,03	2,04
<u>BMPR2</u>	1,03	2,04
<u>DSC3</u>	1,02	2,03
<u>EMP1</u>	1,02	2,03
<u>ERC1</u>	1,02	2,03
<u>HIST1H4L</u>	1,02	2,03
<u>IL1RN</u>	1,02	2,03

<u>APOLD1</u>	1,02	2,03
<u>RNF19A</u>	1,01	2,01
<u>CCDC109B</u>	1,01	2,01
<u>KIRREL</u>	1	2,00
<u>TAGLN2</u>	1	2,00

